Méthode n° 4 — Comparer des séquences avec l'outil BLAST

Corrigé

Pour accéder à l'outil :

https://blast.ncbi.nlm.nih.gov/Blast.cgi?LINK_LOC=blasthome&PAGE_TYPE=BlastSearch&PROGRAM=blastn

► Saisir la séquence, sélectionner les paramètres, lancer en cliquant sur BLAST

► Défiler jusqu'à la section « Alignments » pour identifier le gène impliqué