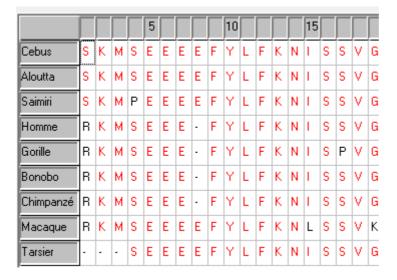


Protocole de TP

Construire l'arbre hypothétique de parenté des primates

- Construire l'arbre de parenté de la famille multigénique des opsines
 - Avec le logiciel Phylogène, ouvrir le fichier de séquences génétiques des opsines humaines : Fichier > Ouvrir > Fichier de molécules > Hominines > Molecules > Familles multigeniques > Opsines-Homme > opsines-HS-adn.aln.
 - 2. Sélectionner *Arbre* ou *Matrice des distances* pour faire apparaître la représentation souhaitée.
- Construire l'arbre de parenté des primates basé sur les séquences de l'opsine bleue
 - Ouvrir le tableau de séquences de l'opsine bleue opsine-bleu-Primates.aln :
 Fichier > Ouvrir > Fichier de molécules > archontes_(primates) > Molecules >
 Opsine-Bleu-Primates.aln.

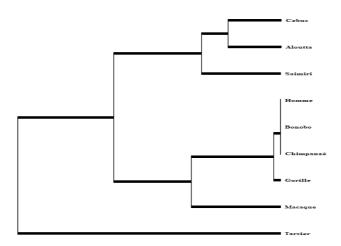
3. Sélectionner les espèces de primates :



4. Sélectionner *Arbre* ou *Matrice des distances* pour faire apparaître la représentation souhaitée :

CHAPITRE 2 - LES CONSÉQUENCES GÉNÉTIQUES DE LA REPRODUCTION SEXUÉE

	Cebus	Aloutta	Saimiri	Homme	Gorille	Bonobo	Chimpanzé	Macaque	Tarsier
Cebus	0	8	14	24	25	24	24	25	40
Aloutta		0	10	22	23	22	22	23	37
Saimiri			0	27	28	27	27	26	41
Homme				0	1	0	0	13	36
Gorille					0	1	1	14	37
Bonobo						0	0	13	36
Chimpanzé							0	13	36
Macaque								0	43
Tarsier									0



- 5. Identifier sur l'arbre les espèces qui ne possèdent pas le gène de l'opsine rouge : Saimiri et Cebus.
- 6. Localiser sur l'arbre les événements de duplication du gène de l'opsine ayant permis le passage de la dichromatie à la trichromatie.